

RSU Molekulārās ģenētikas  
zinātniskā laboratorija



# DNS izdalīšana

- Primāri venozās asinis ar EDTA konservantu, siekalu paraugi, uztriepes\*
- Fenola/ hloroforma adaptēta izdalīšanas metode genomiskajam, mikrobiālajam, šūnu brīvajam u.c.
- Koncentrācijas un tīrības mērīšana, izmantojot Nanodrop
- Pēc nepieciešamības – koncentrācijas noteikšana, izmantojot Qubit



\*svarīgs konservants, glabāšana



# DNS izdalīšana

- epasts [linda.gailite@rsu.lv](mailto:linda.gailite@rsu.lv); [dnsizdalisana@rsu.lv](mailto:dnsizdalisana@rsu.lv) par paraugu skaitu, veidu

1.ned

- Tabula ar paraugu kodiem
- Nogādāts materiāls Dzirciema iela 16, A312

2.-3. nedēļa

- Izdalīts DNS, nomērīta koncentrācija, gatavs izdošanai
- +darba alikvotas sagatavošana ar norādītu koncentrāciju

CITO izdalīšana 2 darba dienu laikā, ja paraugu skaits <48

# Genotipēšana

- qPCR
- Validēšana ar Sangeru, ja nepieciešams (sadarbojoties ar OI)



# Farmakoģenētika

- Validēti testi – 5-FU jutības noteikšanai, kas balstās uz *DPYD* genotipēšanu
- Validēts tests uz TPMT genotipēšanu
- Validēts tests uz irinotekāna jutības noteikšanu (*UGT1A1* genotipēšana)



**INSTAND**



# Klīniskās atbildes sagatavošana

- Genotipēšana, NGS datu klīniska interpretēšana

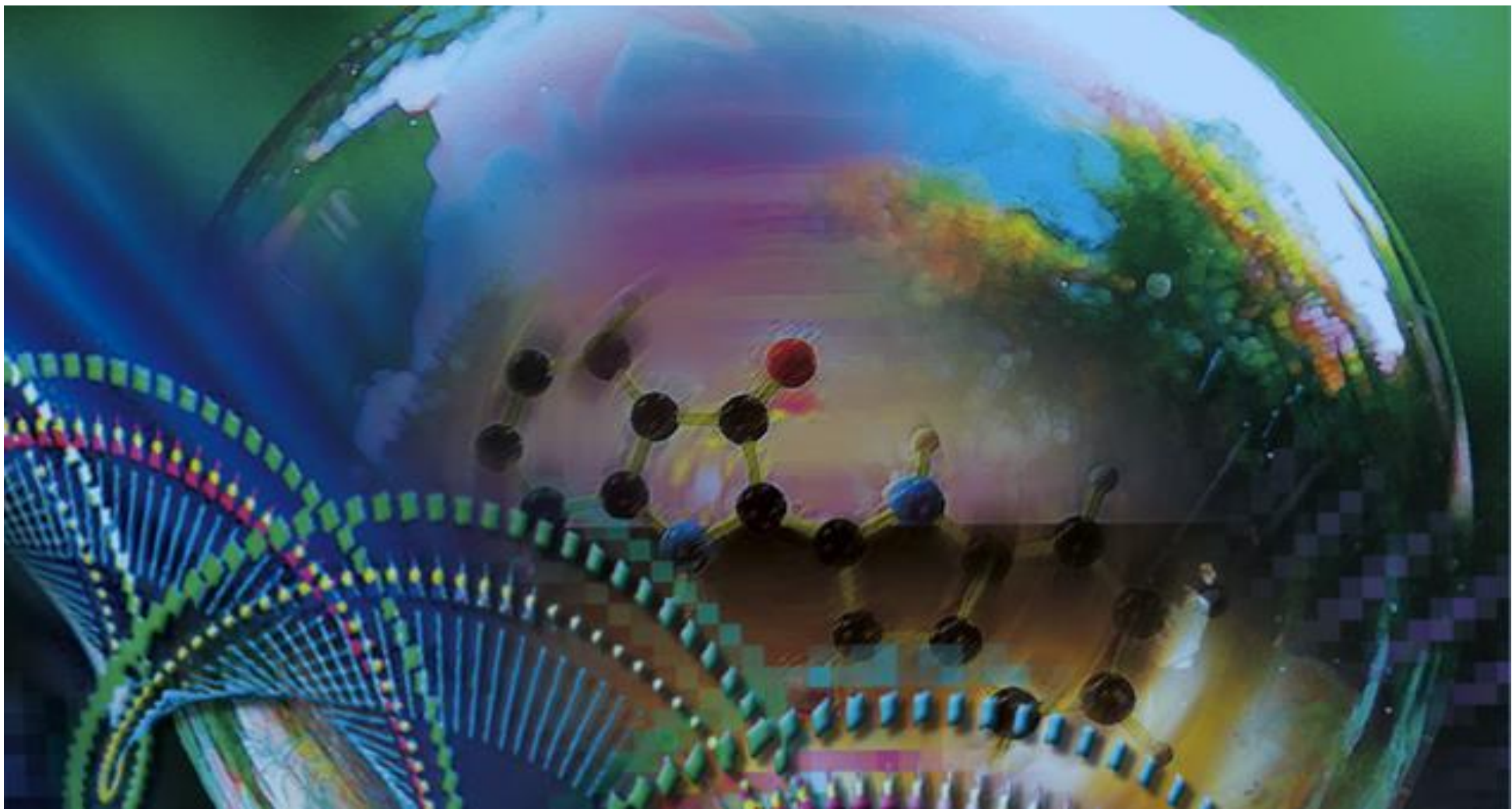
Sertificēti ģenētiķi, laboratorijā esoša bioinformātikas rīku plūsma izstrādāta kopā ar Bioinformātikas laboratoriju. Datu apstrāde DNA Nexus, HPC platformās; variantu interpretācija Illuminas VariantInterpreter vai SeqR platformās.



# Iekšējā datubāze eksoma datiem

- ~500 eksoma datu
- Tiek izmantoti iekšējās references veidošanai, pie variantu filtrācijas





[Linda.Gailite@rsu.lv](mailto:Linda.Gailite@rsu.lv);  
[www.rsu.lv/mgzl](http://www.rsu.lv/mgzl)

